

Illumina y Genotipia mantienen su compromiso con la secuenciación genómica en la práctica clínica

Genotipia

Illumina y Genotipia unen de nuevo sus fuerzas para ofrecer una serie de webinars gratuitos que tratarán las diferentes aplicaciones de la secuenciación masiva en la práctica de la medicina.

A lo largo del mes de junio ambas entidades organizarán el “Encuentro virtual NGS” con cuatro sesiones de actualización sobre secuenciación masiva que abordarán los aspectos prácticos de esta tecnología en análisis preimplantacional, oncología, enfermedades raras y vigilancia genómica de pandemias.

Este año el evento online incluye una charla sobre cómo la genómica puede ayudar a entender y controlar la pandemia de COVID19.

Las técnicas de secuenciación masiva del ADN están transformando la forma de analizar e interpretar la información genética de una persona. En el ámbito de la medicina, la secuenciación masiva se ha introducido como una importante herramienta de diagnóstico y forma parte de la práctica clínica en áreas como la oncología o el diagnóstico de enfermedades raras, además de actuar como un potente motor para el desarrollo de la medicina personalizada. En otras áreas, como la reciente pandemia de COVID-19, la secuenciación genómica se ha convertido en una herramienta indispensable para el control y seguimiento de las diferentes cepas y variantes del coronavirus SARS-CoV-2.

La secuenciación de genomas y sus aplicaciones en el ámbito clínico están en continuo progreso y crecimiento. Conscientes de la importancia de conocer la actualidad de cómo el análisis genómico puede contribuir a mejorar la práctica clínica y la investigación, el pasado año, [Illumina](#), empresa líder en análisis genómicos, y [Genotipia](#), plataforma de conocimiento sobre la genética aplicada a la salud, unieron sus fuerzas para organizar un encuentro virtual con sesiones de actualización sobre secuenciación masiva en la práctica clínica.

Tras el éxito del evento del año pasado, que reunió a más 4200 personas de 45 países diferentes, este año ambas entidades refuerzan su compromiso para dar a conocer las aplicaciones de la secuenciación masiva en la práctica de la medicina con un nuevo encuentro virtual que se celebrará a lo largo del mes de junio, con ponencias los días 8, 15, 22 y 29 de junio.

Las conferencias estarán abiertas a todos los interesados, hasta un aforo de 1000 personas. Todas las personas que deseen asistir pueden registrarse de forma gratuita en los formularios de inscripción preparados a tal efecto. La inscripción es individual para cada charla.

Conferencias sobre genética reproductiva, genómica en oncología, diagnóstico de enfermedades raras y vigilancia genómica de COVID-19

La primera charla, titulada [“\(PGT-A\) Test Genético Preimplantacional no Invasivo para aneuploidías”](#) será impartida el día 8 de junio por Claudia Serrano Serrano, directora médica de Genetix, centro de diagnóstico en genética humana y reproductiva en Bogotá, Colombia. La Dra.

Serrano hablará sobre la utilización de la secuenciación genómica para detectar alteraciones en el número de cromosomas en reproducción asistida.

Carmen Alaez Versón, jefa del Laboratorio de Diagnóstico Genómico del Instituto Nacional de Medicina Genómica de México, será la responsable de la conferencia "[Aplicación de la secuenciación masiva en la oncología: de la investigación a la práctica clínica](#)", que se celebrará el día 15 de junio. La Dra. Alaez hablará sobre la susceptibilidad genética hereditaria al cáncer y detección de alteraciones de relevancia clínica en oncología.

Melania Abreu González, especialista en diagnóstico mediante secuenciación masiva en el Laboratorio de Biología Molecular y Secuenciación Masiva del centro Genos Médica, impartirá la charla "[Diagnóstico por NGS en enfermedades raras: oportunidades y retos](#)" el día 22 de junio. La experta en Genética Médica hablará sobre cómo la secuenciación genómica ha cambiado el diagnóstico molecular de las enfermedades hereditarias.

Por último, Catalina Lopez-Correa, directora ejecutiva de la Red Canadiense de Genómica del COVID19, impartirá la conferencia "[La Genómica: herramienta clave para ayudarnos a entender y controlar la pandemia de COVID19](#)" el 29 de junio. Durante la charla la experta en vigilancia genómica expondrá la utilidad de la secuenciación genómica en el ámbito de la epidemiología y seguimiento de pandemias.

Las conferencias están dirigidas a todos aquellos con un profundo interés en el genoma humano y las diferentes formas en las que su análisis puede contribuir a mejorar la práctica clínica y la investigación.

La asistencia en directo a las conferencias es gratuita, con un aforo de 1000 personas. Posteriormente, las charlas serán incluidas en [GenotipiaTV](#), canal audiovisual de Genotipia.